

# 第二届中国生物系统学学术论坛日程安排

(2017 年 11 月 28 日版)

2017 年 12 月 8 日 (星期五)

10:00-22:00 注册

2017 年 12 月 9 日 (星期六)

08:30-08:50 开幕式、合影

08:50-09:30 **Digitized Herbarium Data in Studies of Biodiversity**

Pamela S. Soltis (University of Florida)

09:30-10:10 **Building, Using, and Teaching the Tree of Life**

Douglas E. Soltis (University of Florida)

10:10-10:30 茶歇

10:30-11:00 利用基因组与转录组序列重建被子植物和其他真核类群的系统关系

马 红 (Pennsylvania State University/复旦大学)

11:00-11:30 关于后植物志时代中国植物分类学的几点思考

李德铎 (中国科学院昆明植物研究所)

11:30-12:00 RNA 病毒圈的重新界定

张永振 (中国疾病预防控制中心传染病预防控制所)

12:00-13:30 午餐

13:30-14:00 何为生物系统学的终极目标——对生物系统学研究现状的思考

任 东 (首都师范大学)

14:00-14:30 青藏高原地质环境演变驱动植物多样性的进化

孙 航 (中国科学院昆明植物研究所)

14:30-15:00 **The genotype-phenotype relationships in the light of evolution**

贺雄雷 (中山大学)

15:00-15:20 茶歇

15:20-15:40 东非植物多样性与物种分化

王青峰 (中国科学院武汉植物园)

- 15:40-16:00 组学时代的原核微生物系统学——挑战与机遇  
李文均（中山大学）
- 16:00-16:20 两栖爬行类多样性与进化研究进展  
车 静（中国科学院昆明动物研究所）
- 16:20-16:40 两栖爬行类物种进化遗传学研究  
李家堂（中国科学院成都生物研究所）
- 16:40-17:00 在系统发育框架内研究分子进化  
赵华斌（武汉大学）
- 17:00-17:30 讨论
- 17:30-19:00 晚餐
- 19:00-21:00 **Workshop I. 面向基因组数据的非序列联配分析方法**

2017 年 12 月 10 日（星期日）

- 08:30-09:00 早期脊椎动物系统学新进展  
朱 敏（中国科学院古脊椎动物与古人类研究所）
- 09:00-09:30 鲸类次生性水生适应机制：从基因到基因组  
杨 光（南京师范大学）
- 09:30-10:00 DNA 高通量测序技术在真菌多样性检测及其系统学研究中的应用  
郭良栋（中国科学院微生物研究所）
- 10:00-10:20 茶歇
- 10:20-10:40 植物 DNA 条形码的过去、现在和未来  
葛学军（中国科学院华南植物园）
- 10:40-11:00 待定  
傅承新（浙江大学）
- 11:00-11:20 鳞翅目昆虫群体遗传学研究  
詹 帅（中国科学院上海生命科学研究院）
- 11:20-11:40 **Bayesian inference of species networks modeling reticulate evolution**  
张 弛（中国科学院古脊椎动物与古人类研究所）
- 11:40-12:00 系统基因组学解决蕨类植物生命之树的基本框架  
严岳鸿（中国科学院辰山植物园）

12:00-13:30 午餐

13:30-14:00 物种形成的模式和机制——以野生稻研究为例

葛 颂（中国科学院植物研究所）

14:00-14:30 **Understanding the dynamics of species range: invasive species vs native species**

李义明（中国科学院动物研究所）

14:30-15:00 醉人的进化：酿酒酵母菌的起源与驯养

白逢彦（中国科学院微生物研究所）

15:00-15:20 茶歇

15:20-15:40 红豆杉属的系统演化与物种形成研究

高连明（中国科学院昆明植物研究所）

15:40-16:00 历史气候变化与喀斯特植物物种形成

康 明（中国科学院华南植物园）

16:00-16:20 重层社会组织 (Multilevel society)在亚洲叶猴类中的系统进化

齐晓光（西北大学）

16:20-16:40 猎隼的保护遗传学

詹祥江（中国科学院动物研究所）

16:40-17:00 古 DNA 探究早期人类遗传演化

付巧妹（中国科学院古脊椎动物与古人类研究所）

17:00-17:30 讨论

17:30-19:00 晚餐

19:00-21:00 **Workshop II. 基因树、基因组树与物种树**

**2017 年 12 月 11 日（星期一）**

08:30-09:00 鸟类对第三极环境的适应性进化

雷富民（中国科学院动物研究所）

09:00-09:30 牛肝菌科的系统发育、形态演化和生物地理

杨祝良（中国科学院昆明植物研究所）

09:30-10:00 蝙蝠 SARS 样冠状病毒的基因组进化和跨种感染

石正丽（中国科学院武汉病毒研究所）

10:00-10:20 茶歇

10:20-10:40 **Computational challenges in NGS-based phylogenomics**

赵方庆（中国科学院北京生命科学研究院）

10:40-11:00 根瘤菌共生匹配性的系统进化

田长富（中国农业大学）

11:00-11:20 待定

职晓阳（云南省微生物研究所）

11:20-11:40 **Prevalent ancient polyploidization events in plants**

焦远年（中国科学院植物研究所）

11:40-12:00 闭幕式

12:00-13:30 午餐、离会

## 附：Workshop 信息

2017 年 12 月 9 日（星期六）

### Workshop I. 面向基因组数据的非序列联配分析方法

19:30-19:50 基于完全基因组序列的几种 alignment-free 物种亲缘树构建方法  
喻祖国（湘潭大学）

19:50-20:10 生物序列的几种数学表示方法及其应用  
田 昆（清华大学）

20:10-20:30 系统发育基因组学理论与方法可能需要做出的若干改变  
谢 强（中山大学）

20:30-21:00 讨论

2017 年 12 月 10 日（星期日）

### Workshop II. 基因树、基因组树与物种树

19:30-19:50 基因树冲突与物种树重建-以长臂猿为例  
石承民（中国科学院北京基因组研究所）

19:50-20:10 基因组时代地衣的系统发育与进化研究  
魏鑫丽（中国科学院微生物研究所）

20:10-20:30 基于新一代基因组测序技术的蒙古人种群演化历史的探索研究  
郭小森（华大基因）

20:30-20:50 **The exonization and functionalization of an Alu-J element in the protein coding region of glycoprotein hormone alpha gene represent a novel mechanism to the evolution of hemochorial placentation in primates.**  
邓 成（南京师范大学）

20:50-21:00 讨论